

Articles and reports from the “Fish Genetics Laboratory” at Drottningholm

The below references contain results based on population genetic data produced at the Institute of Freshwater Research, Drottningholm, SLU Aqua (until 2011: Swedish Board of Fisheries). Titles are listed in reversed chronological order, using three separate headers.

Note that a few genetic analyses carried out at the Institute of Freshwater Research, just reported as result-files with limited background information (i.e. not in stand-alone reports) are not included. Also note the existence of additional papers and reports (not listed) co-authored by researchers presently active at the Institute of Freshwater Research, based on genetic data from other laboratories.

Peer reviewed articles (international scientific journals)

- Whitlock R, Pakarinen T, Palm S, Koljonen M-L, Östergren J, Dannewitz J. (2021). Trade-offs among spatio-temporal management actions for a mixed-stock fishery revealed by Bayesian decision analysis. *ICES Journal of Marine Sciences* 78, 3625–3638. doi.org/10.1093/icesjms/fsab203
- Dannewitz J, Palm S, Edsman L. (2021). Colonization history and human translocations explain the population genetic structure of noble crayfish (*Astacus astacus*) in Fennoscandia – implications for management of a critically endangered species. *Aquatic Conservation: Marine and Freshwater Ecosystems* 31, 1970–1982. doi: 10.1002/aqc.3632
- Miettinen A, Palm S, Dannewitz J, Lind E, Primmer CR, Romakkaniemi A, Östergren J, Pritchard VL. (2021). A large wild salmon stock shows genetic and life history differentiation within, but not between, rivers. *Conservation Genetics* 22, 35–51. doi: 10.1007/s10592-020-01317-y
- Östergren J, Palm S, Gilbey J, Dannewitz J (2020). Close relatives in population samples: evaluation of the consequences for Genetic Stock Identification. *Molecular Ecology Resources* 20, 498–510. doi: 10.1111/1755-0998.13131
- Palm S, Vinterstare J, Nathanson JE, Triantafyllidis A, Petersson E (2019). Reduced genetic diversity and low effective size in peripheral northern European catfish (*Silurus glanis*) populations. *Journal of Fish Biology* 95, 1407–1421. doi: 10.1111/jfb.14152
- Delling B, Palm S (2019). Evolution and disappearance of sympatric *Coregonus albula* in a changing environment - a case study of the only remaining population pair in Sweden. *Ecology and Evolution* 9, 12727–12753. doi: 10.1002/ece3.5745
- Whitlock R, Mäntyniemi S, Palm S, Koljonen M-L, Dannewitz J, Östergren J (2018). Integrating genetic analysis of mixed populations with a spatially explicit population dynamics model. *Methods in Ecology and Evolution* 9, 1017–1035.
- Delling B, Palm S, Palkopoulou E, Prestegard T (2014). Genetic signs of multiple colonization events in Baltic ciscoes with radiation into sympatric spring- and autumn-spawners confined to early postglacial arrival. *Ecology and Evolution* 4, 4346–4360. doi: 10.1002/ece3.1299
- Hellström G, Prestegard T, Dannewitz J, Olsén H (2013). Sperm from pheromone primed brown trout (*Salmo trutta* L.) produce more larvae. *Fish Physiology and Biochemistry* 39, 471–478.
- Rogell B, Dannewitz J, Palm S, Dahl J, Petersson E, Laurila A (2013). Adaptive divergence in body size overrides the effects of plasticity across natural habitats in the brown trout. *Ecology and Evolution* 3, 1931–1941.

- Bergek S, Franzén F, Quack M, Hochkirch A, Kinitz T, Prestegård T, Appelberg M (2012). Panmixia in *Zoarces viviparus*: implications for environmental monitoring studies. *Journal of Fish Biology* 80, 2302–2316. doi:10.1111/j.1095-8649.2012.03286.x
- Rogell B, Dannewitz J, Palm S, Petersson E, Dahl J, Prestegård T, Järvi T, Laurila A. (2012). Strong divergence in trait means but not in plasticity across hatchery and wild populations of sea-run brown trout *Salmo trutta*. *Molecular Ecology* 21, 2963-2976.
- Palm S, Dannewitz J, Prestegård T, Wickström H (2009). Panmixia in European eel revisited: no genetic difference between maturing adults from Southern and Northern Europe. *Heredity* 103, 82-89.
- Palm S, Dannewitz J, Järvi T, Koljonen M-L, Prestegård T, Olsén KH. (2008). No indications of shoaling with kin at sea in Baltic salmon (*Salmo salar* L.). *Canadian Journal of Fisheries and Aquatic Sciences* 65, 1738–1748.
- Forsberg LA, Dannewitz J, Petersson E, Grahn M (2007). Influence of genetic dissimilarity in the reproductive success and mate choice of brown trout - females fishing for optimal Mhc dissimilarity. *Journal of Evolutionary Biology* 20, 1859-1869.
- Maes GE, Pujolar M, Raeymaekers JAM, Dannewitz J, Volckaert FAM (2006). Microsatellite conservation and Bayesian individual assignment in four *Anguilla* species. *Marine Ecology Progress Series* 319, 251-261.
- Dannewitz J, Maes GE, Johansson L, Wickström H, Volckaert FAM, Järvi T (2005). Panmixia in the European eel: a matter of time... *Proceedings of the Royal Society of London Series B* 272, 1129-1137.
- Dannewitz J, Petersson E, Dahl J, Prestegård T, Löf A-C, Järvi T (2004). Reproductive success of hatchery produced and wild born brown trout in an experimental stream. *Journal of Applied Ecology* 41, 355-364.
- Dannewitz J, Petersson E, Prestegård T, Järvi T (2003). Effects of sea-ranching and family background on fitness traits in brown trout *Salmo trutta* reared under near natural conditions. *Journal of Applied Ecology* 40, 241-250.
- Palm S, Dannewitz J, Järvi T, Petersson E, Prestegård T, Ryman N (2003). Lack of molecular genetic divergence between sea-ranching and wild sea trout (*Salmo trutta*). *Molecular Ecology* 12, 2057-2071.
- Edsman L, Farris JS, Källersjö M, Prestegård T (2002). Genetic differentiation between noble crayfish, *Astacus astacus* (L.), populations detected by microsatellite length variation in the rDNA ITS1 region. *Bull. Fr. Pêche Piscic.* 367, 691-706.

Reports (with peer review)

- Söderberg L, Palm S (2026). Genetisk analys av 2025 års avelsfisk – från tio svenska kompensationsodlingar. *Aqua notes* 2026:24, 100 s.
- Söderberg L, Palm S (2025). Genetisk analys av avelsfisk kramad 2024 – lax och havsöring från tio svenska kompensationsodlingar. *Aqua notes* 2025:18, 70 s.
- Östergren J, Palm S, Söderberg L, Persson L (2023). Strategiskt arbete för bevarande av genetisk variation i svensk kompensationsodling. *Energiforsk Rapport* 2023-976. 64 s.
- Söderberg L, Palm S, Ek C, Östergren J (2023). Fem års DNA-analys av avelsfisk – kompensationsodlad lax och havsöring från åtta älvar. *Aqua reports* 2023:12. Institutionen för akvatiska resurser, Sveriges lantbruksuniversitet, Drottningholm Lysekil Öregrund, 52 s.
- Halldén F (2023). Exploring population genetics and spatial distribution of pikeperch (*Sander lucioperca*) in lake Hjälmaren, Sweden, using acoustic telemetry and microsatellite data. Degree project for Master of Science (120 hec) with a major in conservation biology. University of Gothenburg. 49 pp.
- Söderberg L, Östergren J, Palm S (2019). Genetisk analys av avelsfisk. Lax och havsöring 2017-2018 från svenska kompensationsodlingar. *Aqua reports* 2019:18. Institutionen för akvatiska resurser, Sveriges lantbruksuniversitet, Drottningholm Lysekil Öregrund, 53 s.

- Dannewitz J, Palm S, Prestegaard T, Spånberg E, Östergren J (2014). Återetablering av vandrande storöring i övre Österdalälven. En genetisk utvärdering av utsättningar av Siljansöring i biflödet Fjätälven. *Aqua reports* 2014:9. Institutionen för akvatiska resurser, Sveriges lantbruksuniversitet, Drottningholm Lysekil Öregrund, 33 s.
- Palm S, Dannewitz J, Prestegaard T, Östergren J (2013). Laxing och felvandrad lax i Mörrumsån. En genetisk analys. *Aqua reports* 2013:20. Institutionen för akvatiska resurser, Sveriges lantbruksuniversitet, Drottningholm Lysekil Öregrund, 44 s.
- Dannewitz J, Palm S, Degerman E, Olsson J, Prestegaard T, Östergren J (2012). Genetisk kartläggning av öring i Mjörn. *Aqua reports* 2012:11. Institutionen för akvatiska resurser, Sveriges lantbruksuniversitet, Drottningholm Lysekil Öregrund, 35 s.
- Palm S, Dannewitz J, Johansson D, Laursen F, Norrgård J, Prestegaard T, Sandström A (2012). Populationsgenetisk kartläggning av Vänerlax. *Aqua reports* 2012:4. Institutionen för akvatiska resurser, Sveriges lantbruksuniversitet, Drottningholm Lysekil Öregrund, 64 s.
- Dannewitz J, Prestegaard T, Palm S (2010). Långsiktigt hållbar gösförvaltning - genetiska data ger ny information om bestånd och effekter av utsättningar. *FINFO* 2010:3, 34 s.

Reports, memorandums, etc. (internal or no review)

- Palm S (2026). Genetisk analys av öring från Anten. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 14 s.
- Palm S, Söderberg L (2026). Genetisk analys av harr från Tandsjöån. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 5 s.
- Palm S (2025). Genetisk analys av flodpärlmussla i Skåne. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 3 s.
- Palm S (2025). Genetisk analys av lax och havsöring i Gideälven. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 20 s.
- Palm S, Östergren J (2025). Genetisk kartläggning av fem öringstammar vid Bonäshamns fiskodling. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 20 s.
- Palm S, Diserud O, Karlsson S (2025). Genetisk påverkan från förrymd odlad norsk lax på svensk västkustlax: data från 2023-2024. PM från Sveriges lantbruksuniversitet och NINA, 11 s.
- Palm S, Dannewitz J, Tärnlund S (2025). Delrapport avseende genetisk analys av lax fångad i kustfisket 2024 - För prover insamlade av Alexander Lindgren i sydvästra delen av Kalix skärgård. PM/delrapport från SLU Aqua. 6 s.
- Palm S, Dannewitz J, Tärnlund S (2025). Delrapport avseende genetisk analys av lax fångad i kustfisket 2024 - För prover insamlade av Kent Sjöstedt i området utanför Lövånger. PM/delrapport från SLU Aqua. 6 s.
- Palm S (2025). Genetisk analys av öring från Bjuggtjärnsbäcken. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 7 s.
- Söderberg L (2025). Genetiska resultat för lax inom trolldingstudie (2023-2024). PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 6 s.
- Palm S (2025). Genetisk analys av öring från Stor-Treen, Värmland. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 14 s.
- Palm S (2025). Genetisk analys av öring från övre Ljungan. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 18 s.
- Palm S (2025). Genetisk kartläggning av öring från Upperudsälvens vattensystem. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 26 s.
- Söderberg L, Palm S (2024). Genetisk analys av avelsfisk kramad 2023: lax och havsöring från tio svenska kompensationsodlingar. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 62 s.

- Söderberg L, Palm S (2024). Genetisk analys av öring i Kronobergs län. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 27 s.
- Palm S (2024). Genetisk analys av öring från Storån, Åtvidaberg. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 9 s.
- Palm S (2024). Delrapport: Genetisk analys av öring från Upperudsälvens övre delar. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 4 s.
- Söderberg L, Palm S, Hällbom M (2024). Genetisk stambestämning och bedömd uppväxtmiljö för lax och öring från Väneren. Yttrande från SLU-Aqua till Kustbevakningen, 5 s.
- Palm S, Diserud O, Karlsson S (2024). Genetisk påverkan från förrymd odlad norsk lax på svensk västkustlax: data från 2023. PM från Sveriges lantbruksuniversitet och NINA, 6 s.
- Palm S (2024). Genetisk analys av öring från Valån. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 11 s.
- Palm S, Söderberg L (2024). Genetisk art- och stambestämning av lax och öring från Väneren och Gullspångsälven – utökad analys. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 3 s.
- Söderberg L (2023). Genetisk undersökning av öring i Jumkilsån. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 4 s.
- Palm S (2023). Genetisk status hos vild lax och öring från Klarälven – en uppföljande analys. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 23 s.
- Palm S (2023). Genetisk analys av öring från Mieån. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 12 s.
- Söderberg L, Palm S (2023). Genetisk analys av avelsfisk kramad 2022: lax och havsöring från åtta svenska kompensationsodlingar. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 51 s.
- Östergren J (2023). Effektiv populationsstorlek hos öring från Demosträckan, Hedströmmen. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 5 s.
- Palm S (2023). Genetisk analys av öring från Blommaälven, Dalsland. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 7 s.
- Palm S, Söderberg L (2023). Genetisk art- och stambestämning av lax och öring från Väneren och Gullspångsälven. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 5 s.
- Dannewitz J, Tärnlund S (2023). Delrapport avseende provtagning och genetisk analys av lax fångad i kustfisket - *För prover insamlade av Magnus Persson i den södra delen av Luleälvens terminalfiskeområde*. PM/delrapport från SLU Aqua. 6 s.
- Huusko R, Hellström G, Jaukkuri M, Palm S, Romakkaniemi A. (2023). Spawning migration of salmon and sea trout in the Tornionjoki river. *Natural resources and bioeconomy studies* 29/2023. Natural Resources Institute Finland. Helsinki. 53 s.
- Dannewitz J, Tärnlund S (2022). Delrapport avseende provtagning och genetisk analys av lax fångad i kustfisket - *För prover insamlade av Björn Lundgren och Eva Carron vid Holmön utanför Umeå*. PM/delrapport från SLU Aqua. 4 s.
- Dannewitz J, Tärnlund S (2022). Delrapport avseende provtagning och genetisk analys av lax fångad i kustfisket - *För prover insamlade av Dennis Westlund i området utanför Skärså*. PM/delrapport från SLU Aqua. 4 s.
- Dannewitz J, Tärnlund S (2022). Delrapport avseende provtagning och genetisk analys av lax fångad i kustfisket - *För prover insamlade av Kent Karlsson och Teija Aho i området kring Bergön nära Kalixälven*. PM/delrapport från SLU Aqua. 4 s.
- Dannewitz J, Tärnlund S (2022). Delrapport avseende provtagning och genetisk analys av lax fångad i kustfisket - *För prover insamlade av Kent Sjöstedt i området utanför Lövånger*. PM/delrapport från SLU Aqua. 5 s.

- Dannewitz J, Tärnlund S (2022). Delrapport avseende provtagning och genetisk analys av lax fångad i kustfisket - *För prover insamlade av Mika Pastinen i området utanför Husum*. PM/delrapport från SLU Aqua. 5 s.
- Dannewitz J, Tärnlund S (2022). Delrapport avseende provtagning och genetisk analys av lax fångad i kustfisket - *För prover insamlade av Patrik Blomberg i området utanför Osnäs i Västerbotten*. PM/delrapport från SLU Aqua. 4 s.
- Dannewitz J, Tärnlund S (2022). Delrapport avseende provtagning och genetisk analys av lax fångad i kustfisket - *För prover insamlade vid Seskarö av Viktor Medström*. PM/delrapport från SLU Aqua. 5 s.
- Palm S (2022). Genetisk status hos odlad Gullspångslax och –öring. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 21 s.
- Palm S (2022). Genetisk analys av gösbestånd i Norrbotten. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 10 s.
- Palm S (2022). Genetisk analys av öring från Dammån. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 16 s.
- Palm S, Söderberg L (2022). Genetisk analys av havsöring från Ljungan. Kunskapsunderlag från Sveriges lantbruksuniversitet, 10 s.
- Söderberg L, Palm S (2022). Genetisk analys av avelsfisk kramad 2021: lax och havsöring från åtta svenska kompensationsodlingar. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 47 s.
- Palm S (2022). Genetisk analys av öring från Västra Silen. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 5 s.
- Palm S, Söderberg L (2022). Genetisk analys av lax från Vänern och Gullspångsälven. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 3 s.
- Söderberg L (2022). Genetisk undersökning av lax fångad i Luleälven 2021. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 5 s.
- Palm S (2022). Genetisk analys av öring från Spargottsbacken. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 7 s.
- Palm S, Söderberg L (2022). Genetisk analys av havsöring från Västernorrland: utökad studie. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 19 s.
- Palm S (2022). Genetiska analyser inom ÅGP för mal: kompletterande arbete 2021. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 12 s.
- Söderberg L (2021). Genetisk analys av öring från Örbäcken och Gårdsjöälven vid sjön Visten. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 8 s.
- Söderberg L, Ek C (2021). Genetisk analys av lax och havsöring kramad 2020 i svenska kompensationsodlingar. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 49 s.
- Söderberg L (2021). Resultat av genetisk analys för lax fångad i Laholmsbukten 2021. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 2 s.
- Palm S (2021). Genetiska undersökningar inom det nationella åtgärdsprogrammet för bevarande av mal (*Silurus glanis*). Länsstyrelsen i Södermanlands Län, Rapport 2021:16, 27 s.
- Dannewitz J (2021). Genetiska aspekter rörande utsättningar av öring i Siljan/Orsasjön och tillrinnande vattendrag. Sakkunnigutlåtande till Mark- och miljödomstolen. 9 s.
- Söderberg L, Königsson H, Östergren J (2021). Genetisk analys av öringen i Vättern. Vätternvårdsförbundet Rapport 2021:143. 40 s.
- Palm S (2021). Genetisk analys av öring från Älgån. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 14 s.
- Palm S, Söderberg L, Östergren J (2021). Vävnadsprover och genetiska data för lax vid Sötvattenslaboratoriet. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 12 s.
- Östergren J, Söderberg L (2020). Genetisk undersökning av öring i Nietsajoki. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 10 s.

- Huusko R, Jaukkuri M, Hellström G, Söderberg L, Palm S, Romakkaniemi A (2020). Spawning migration behavior of salmon and sea trout in the Tornionjoki river system: interim report 2018–2019 (På engelska med svensk och finsk sammanfattning). *Natural resources and bioeconomy studies* 78/2020. 29 s.
- Söderberg L, Palm S (2020). Genetisk analys av kompensationsodlad lax och havsöring kramad 2019. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 39 s.
- Palm S, Söderberg L (2020). A microsatellite marker calibration for Atlantic salmon – SLU Aqua vs. ”SalSea”. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 7 s.
- Söderberg L, Lind E, Degerman E, Palm S (2020). Genetisk särart och variation hos svenska bestånd av Atlantlax. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 27 s.
- Palm S (2019). Genetisk ursprungsanalys av mal från Helge å, Norra Skåne. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 7 s.
- Palm S (2019). Genetisk analys av lax från Moälven. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 19 s.
- Palm S, Söderberg L (2019). Genetisk analys av öring från Västernorrland. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 19 s.
- Palm S (2019). Genetisk analys av lax i Vege å, Skåne län. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 6 s.
- Degerman E, Söderberg L (2019). Öring i Hammarskogsån – genetisk variation och släktskap med andra öringpopulationer. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 17 s.
- Palm S, Söderberg L (2019). Genetisk analys av öring från Upperudsälvens avrinningsområde. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 7 s.
- Söderberg L, Östergren J (2019). Genetisk analys av radiomärkt lax fångad utanför Dalälven och Ljusnan. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 3 s.
- Söderberg L, Palm S, Östergren J (2019). Genetisk analys av lax fångad i Pukaviken maj-juli 2015 och maj-juni 2016, samt jämförelser med resultat från fiske 2013 och 2014. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 4 s.
- Palm S, Romakkaniemi A, Dannewitz J, Jokikokko E, Pakarinen T, Huusko R, Broman A, Sutela T (2019). Torneälvens bestånd av lax, havsöring och vandringslik – gemensamt svensk-finskt biologiskt underlag för bedömning av lämpliga fiskeregler under 2019. Rapport från Sveriges lantbruksuniversitet och Finska vilt- och fiskeriforskningen, 52 s.
- Söderberg L, Palm S (2019). Genetisk analys av öring från fyra vattendrag i Kronobergs län. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 9 s.
- Dannewitz J, Palm S (2018). Genetisk analys av öring från Sommen och angränsande vatten. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 7 s.
- Lind E, Degerman E, Söderberg L, Palm S (2018). Populationsgenetisk struktur hos svenska bestånd av Atlantlax, Rapport till Havs och Vattenmyndigheten, 32 s.
- Palm S, Dannewitz J (2018). Genetisk status och bevarandemål för lax och öring i Gullspångsälven. Biologisk rådgivning från SLU, 17 s.
- Palm S, Söderberg L, Kokkin M (2018). Biologisk analys av nätfångad lax från Vänern. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 8 s.
- Söderberg L (2018). Genetisk analys av öring från Bjurforsbäcken. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 12 s.
- Söderberg L, Palm S (2018). Genetisk analys av skrubbskädda från Gotland 2018. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 5 s.
- Söderberg L, Palm S (2018). Genetisk analys av sik från Siljan och Limån. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 8 s.

- Söderberg L, Palm S (2018). Genetisk analys av avelslax från Kvistforsens laxodling, 2017. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 6 s.
- Söderberg L, Dannewitz J (2018). Genetisk analys av lax fångad nedströms Lilla Edets kraftverk i Göta älv. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 11 s.
- Söderberg L, Palm S (2018). Genetisk analys av avelslax från Laholms fiskodling i Lagan, kramad 2017. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 6 s.
- Söderberg L, Palm S (2018). Genetisk analys av flodkräfta i Västmanland (uppdaterad version, 2018). PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 8 s.
- Söderberg L, Östergren J (2018). Genetisk analys av öring från Ljusnan. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 9 s.
- Dannewitz J (2017). Genetisk variation hos öring i nedre Dalälven. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 8 s.
- Palm S, Söderberg L (2017). Genetisk ursprungsanalys av skrubbskädda från olika delar av svenska östersjökusten. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 11 s.
- Palm S, Söderberg L (2017). Genetisk analys av lax från tre vattendrag i Västernorrland. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 12 s.
- Palm S, Söderberg L (2017). Genetisk analys av öring från Pite älv. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 7 s.
- Söderberg L, Palm S, Edsman L (2017). Genetisk analys av flodkräfta i Västmanland. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 9 s.
- Söderberg L, Palm S (2017). Genetisk undersökning av öring i biflöden till Ume-Vindelälven. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 8 s.
- Söderberg L, Palm S (2017). Genetisk analys av öring från Hjoåns vattensystem. Rapport från Sveriges lantbruksuniversitet, 11 s.
- Söderberg L, Palm S (2017). Genetisk analys av öring från Villångsbäcken. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 4 s.
- Söderberg L, Palm S, Degerman E, Östergren J (2017). Genetisk analys av öring i Hedströmmen. Rapport från Sveriges lantbruksuniversitet, 22 s.
- Söderberg L, Palm S (2017). Genetisk analys av lax från Kvistforsens laxodling, Skellefteälven. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 3 s.
- Söderberg L, Palm S (2017). Genetisk analys av lax från Hörnån. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 4 s.
- Johansson A (2016). Natural migration barriers for fish by hydropower plants - Methods to assess historic passability. Case studies of migration barriers. Master's thesis, 30 hec. Swedish University of Agricultural Sciences. 61 s.
- Östergren J (2016). Genetisk analys av öring från Arvidträsk och LillArvidträsk. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 3 s.
- Lind E, Östergren J (2016). Genetisk analys av avelslax fångad i Ljusnan och Skellefteälven 2015. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 23 s.
- Östergren J (2016). Genetisk analys av öring från Juktån. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 3 s.
- Östergren J (2016). Genetisk analys av öring från Läktabäcken. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 4 s.
- Östergren J (2015). Genetisk analys av öring från Rämhyttans fvo. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 2 s.
- Lind E (2015). Genetisk analys av öring från Sandbyån, Uppland. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 6 s.

- Dannewitz J, Östergren J (2015). Genetisk utvärdering av utsättningsförsök med öring i Gysinge. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 6 s.
- Lind E, Dannewitz J, Palm S, Romakkaniemi A, Prestegaard T, Östergren J (2015). Genetisk struktur hos lax i Torneälven och Kalixälven – med speciellt fokus på uppvandringstid hos vuxen lax från olika delar av Torneälven. Rapport från Sveriges lantbruksuniversitet, 20 s.
- Palm S, Prestegaard T (2015). Genetisk analys av öring från Brunnshyttedäcken. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 8 s.
- Palm S, Prestegaard T (2015). Genetisk föräldraskapsanalys av vildfödd lax i Klarälven. Delkapitel (sid. 254-263) i slutrapport för Interreg-projekt: Vänerlaxens fria gång – två länder, en älv. Redaktörer: Pär Gustafsson, Mikael Hedenskog, Tore Qvenild.
- Palm S, Prestegaard T (2015). Genetisk analys av klarälvslax från Forshaga avelsfiske (2011-2012). Delkapitel (sid. 246-252) i slutrapport för Interreg-projekt: Vänerlaxens fria gång – två länder, en älv. Redaktörer: Pär Gustafsson, Mikael Hedenskog, Tore Qvenild.
- Östergren J (2015). Genetisk analys av öring i Hedströmmens avrinningsområde – Del II. PM från Sveriges lantbruksuniversitet. 10 s.
- Östergren J, Lind E (2015). Genetisk analys av avelslax fångad i Skellefteälven och Ljusnan 2014. Rapport från Sveriges lantbruksuniversitet, 22 s.
- Östergren J, Lind E, Palm S, Tärnlund S, Prestegaard T, Dannewitz J (2015). Stamsammansättning av lax i det svenska kustfisket 2013 & 2014 – genetisk provtagning och analys. Biologisk rådgivning från SLU, 30 s.
- Palm S, Dannewitz J, Prestegaard T (2014). Genetisk analys av öring från Emån. PM från Sveriges lantbruksuniversitet. 12 s.
- Palm S, Prestegaard T, Wagnström J (2014). Genetisk analys av gös från Ivösjön. PM från Sveriges lantbruksuniversitet. 12 s.
- Östergren J (2014). Genetisk analys av avelslax fångad i Indalsälven och Ljusnan 2013. PM från Sveriges lantbruksuniversitet. 24 s.
- Östergren J, Olsson J, Bergek S, Palm S, Tärnlund S, Dannewitz J, Prestegaard T (2014). Stamsammansättning av lax i kustfisket 2013 – genetisk provtagning och analys. Rapport till Havs- och vattenmyndigheten, 28 s.
- Östergren J, Palm S (2013). Genetisk analys av lax insamlade för dioxinprov. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 5 s.
- Palm S, Prestegaard T (2013). Genetisk analys av lax från Rönne å med tillflöden. PM från Sveriges lantbruksuniversitet, 15 s.
- Dannewitz J, Palm S, Lundvall D, Prestegaard T (2011). Genetiska studier av öring från Lurån och Sångåns vattensystem. Länsstyrelsen i Dalarnas län, Rapport 2011:25.
- Palm S, Degerman E, Prestegaard T, Dannewitz J (2011). Genetisk kartläggning av lax i Göta älv med biflöden. Länsstyrelsen i Västra Götalands län, Rapport 2011:50.
- Andersson M (2009). Pikeperch (*Sander lucioperca* L.) in a Baltic Sea bay: a synopsis of history, commercial fishery, stocking and effects on genetic structure from stocking activities. Degree project (45 hp) 2009:19. Department of Systems Ecology, Stockholm University.
- Lundmark B (2009). Populationsgenetisk analys av öring (*Salmo trutta*) från gotländska vattendrag. Examensarbete i biologi 45 hp till masterexamen, Institutionen för biologisk grundutbildning och Institutionen för ekologi och evolution, Populationsbiologi och naturvårdsbiologi, Uppsala universitet (Handledare: Stefan Palm). 38 s.
- Dannewitz J, Prestegaard T (2009). Genetisk analys av fenklippt och oklippt lax från Göta älv. PM från Fiskeriverket, 6 s.

- Palm S, Dannewitz J, Prestegaard T, Nathanson JE (2009). Populationsgenetisk analys av svenska vår- och höstlekande siklöjor. Rapport från Fiskeriverket och Uppsala universitet, 16 s.
- Sandström A, Norrgård J, Dannewitz J, Bergstrand E (2009). Kan införandet av fiskefria områden vända trenden för fisken i Vättern? Resultat från övervakningsprogram och inventeringar i Vättern 2005-2007. Rapport 96 från Vätternvårdsförbundet. 97 s.
- Dannewitz J, Prestegaard T (2008). Genetisk analys av fenklippt och oklippt lax från Lagan. PM från Fiskeriverket, 2 s.
- Palm S, Dannewitz J, Prestegaard T, Petersson E, Järvi T (2008). Genetisk analys av fenklippt havsöring fångad vid Gotland. PM från Fiskeriverket. 9 s.
- Palm S, Prestegaard T, Dannewitz J, Petersson E, Nathanson J-E (2008). Genetisk kartläggning av svenska malbestånd. Rapport från Fiskeriverket, 26 s.
- Dellefors C, Dannewitz J (2007). Insjööringen i sjön Lygnern – härkomst, förekomst och återkomst. Länsstyrelsen i Västra Götalands län, Rapport 2007:75, 26 s.
- Dannewitz J, Bystedt I (2006). Genetisk variation hos lax och öring från Gullspångsälven. PM från Fiskeriverket, 8 s.
- Petersson J, Dannewitz J, Prestegaard T, Bystedt I (2005). Genetisk variation hos öring i små vattendrag kring Bråviken. Rapport från Fiskeriverket, 15 s.
- Dannewitz J, Prestegaard T, Bystedt I (2004). Genetisk karakterisering av harrbestånd i Oreälv och Unnån. Rapport från Fiskeriverket, 10 s.
- Dannewitz J, Prestegaard T, Bystedt I (2004). Karakterisering av skyddsvärda öringbestånd i Särna-Idre området samt en utvärdering av romutsättningarna i Fjätälven. Rapport från Fiskeriverket, 14 s.
- Dannewitz J (2003). En populationsgenetisk jämförelse mellan Siljan- och Hansjööring. PM från Fiskeriverket, 8 s.
- Dannewitz J (2002). En populationsgenetisk jämförelse mellan öring från Sommen och Långhults fiskodling. PM från Fiskeriverket, 6 s.
- Dannewitz J, Johansson L (2002). En populationsgenetisk studie av öring från Åvaån, Fitunaån och Kagghamraån. Rapport från Fiskeriverket, 9 s.
- Dannewitz J (2000). Genetisk variation hos öring i Sommen. PM från Fiskeriverket. 7 s.